Liste des tumeurs pour lesquelles la base de diagnostic 8 (tests cytogénétiques et/ou moléculaires) peut être applicable			
Classification de l'OMS, 5ème édition	**Anomalie génétique éligible pour la BD8 (selon la classification de l'OMS, 5ème édition)**	**ICD-O-3.2**	**Remarques Registre**
Tumeurs hématolymphoïdes			
Néoplasies myéloprolifératives (MPN)			
Leucémie myéloïde chronique (LMC/CML), BCR::ABL1	Détection du chromosome de Philadelphie (Ph) et/ou BCR::ABL1	9875/3	
Syndromes myélodysplasiques (SMD/MDS)			
Syndrome myélodysplasique avec faible nombre de blastes et délétion 5q isolée (MDS-5q)	Détection de la délétion 5q, isolée ou associée à une autre anomalie chromosomique (à l'exception de la monosomie 7 (-7) ou d'une délétion 7q (del(7q)))	9986/3	
Syndrome myélodysplasique avec faible nombre de blastes et mutation SF3B1 (MDS-*SF3B1*) MDS avec faible nombre de blastes et sidéroblastes en couronne	Détection de la mutation SF3B1 (la détection d'un variant SF3B1 avec VAF (fréquence allélique variable) sous 5% n'est pas éligible pour MDS-SF3B1)	9982/3	Ajoutez en commentaire : "MDS-SF3B1"
Syndrome myélodysplasique avec inactivation biallélique TP53 (MDS-bi*TP53*)	Détection de minimum une mutation TP53 ou présence d'une mutation TP53 avec preuve synchrone de 'perte de copie' ou 'perte d'hétérozygotie neutre en copie' de TP53	9985/3	Ajoutez en commentaire : "MDS-biTP53" ou "MDS avec TP53 muté, autre que biTP53"
Néoplasies myélodysplasiques/myéloprolifératives (MDS/MPN)			
Néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératives avec neutrophilie (MDS/MPN-N) *Leucémie myéloïde chronique atypique**	Absence de BCR::ABL1	9876/3	N'enregistrez pas systématiquement 9876/3 si la mutation BCR::ABL1 est absente. Enregistrez 9876/3 seulement si le médecin confirme le diagnostic de MDS/MPN-N ou aCML.
Néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératives avec mutation *SF3B1* et thrombocytose (MDS/MPN-*SF3B1* -T) *Néoplasie myélodysplasique/myéloprolifératives avec sidéroblastes en couronne et thrombocytose, SAI**	Mutation SF3B1 associée à JAK2 p. V617F ou, en l'absence de ces mutations, mutations biologiquement similaires impliquant des facteurs de spliceosomes et une transduction du signal (par exemple MPL ou CBL)	9982/3	Ajoutez en commentaire: "MDS/MPN-SF3B1-T"
Leucémie myéloïde aiguë (LMA/AML)			
Leucémie promyélocytaire aiguë avec fusion PML::RARA	Détection de PML::RARA et/ou t(15;17)(q24;q21) ou d'un variant de la translocation RARA (variant qui inclut les partenaires de fusion ZBTB16 sur 11q23, NUMA1 sur 11q13, NPM1 sur 5q35, STAT5B sur 17q21, PRKAR1A sur 17q24, FIP1L1 sur 4q12, BCOR sur Xp11, OBFC2A sur 2q32, TBLR1 sur 3q26, GTF2I sur 7q11, IRF2BP2 sur 1q42 et FNDC3B sur 3q26)	9866/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec fusion RUNX1::RUNX1T1	Détection de RUNX1::RUNX1T1 et/ou t(8;21)(q22;q22.1)	9896/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec fusion CBFB::MYH11	Détection de CBFB::MYH11 et/ou inv(16)(p13.1q22) ou t(16;16)(p13.1;q22)	9871/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec fusion DEK::NUP214	Détection de DEK::NUP214 et/ou t(6;9)(p22.3;q34.1)	9865/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec fusion RBM15::MRTFA (auparavant MKL1)	Détection de RBM15::MRTFA et/ou t(1;22)(p13.3;q13.1)	9911/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec fusion BCR::ABL1	Détection de BCR::ABL1 et/ou t(9;22)(q34.1;q11.2) démontrée lors du diagnostic initial (en l'absence de CML)	9912/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec réarrangement du gène KMT2A	Détection d'un réarrangement du gène KMT2A et/ou t(9;11)(p21.3;q23.3) (les réarrangements du gène KMT2a sont le résultat de délétions, duplications, inversions ou translocations au niveau du locus 11q23)	9897/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec réarrangement du gène MECOM	Détection d'un réarrangement du gène MECOM et/ou inv(3)(q21.3q26.2), t(3;3)(q21;q26), t(3;21)(q26.2;q22) ou t(3;12)(q26.2;p13)	9869/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec réarrangement du gène NUP98	Détection d'un réarrangement du gène NUP98 et/ou de produits de fusion spécifiques comme NUP98::NSD1 (t(5;11)(q35.2;p15.4)) ou NUP98::KMD5A (t(11;12)(p15.4;p13.3))	9861/3	Ajoutez en commentaire : "AML avec réarrangement du gène NUP98"
Leucémie myéloïde aiguë avec mutation NPM1	Détection d'une mutation NPM1	9877/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec mutation CEBPA	Détection d'une mutation biallélique de CEBPA ou d'une seule mutation localisée dans la région bZIP	9878/3	
Leucémie myéloïde aiguë avec changements secondaires à une myélodysplasie (AML-MR)	Détection d'une ou plusieurs anomalies chromosomiques ou moléculaires, comme une délétion 11q ou une mutation ASXL1 (la détection de mutations somatiques dans SRSF2, SF3B1, U2AF1, ZRSR2, ASXL1, EZH2, BCOR, ou STAG2 est considérée comme déterminante pour l'AML-MR, vu que >95% sont spécifiquement présentes dans une AML survenant après un MDS ou MDS/MPN)	9895/3	
AML avec RUNX1T3(CBFA2T3)::GLIS2 AML avec KAT6A::CREBBP AML avec FUS::ERG AML avec MNX1::ETV6 AML avec NPM1::MLF1	Détection de CBFA2T3::GLIS2 et/ou inv(16)(p13.3q24.3) Détection de KAT6A::CREBBP et/ou t(8;16)(p11.2;p13.3) Détection de FUS::ERG et/ou t(16;21)(p11.2;q22.2) Détection de ETV6::MNX1 et/ou t(7;12)(q36.3;p13.2) Détection de NPM1::MLF1 et/ou t(3;5)(q25.3;q35.1)	9861/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire

AML avec t(1;3)(p36.3;q21.3)/PRDM16::RPN1 *AML avec t(7;12)(q36.3;p13.2)/ETV6::MNX1* *AML avec t(10;11)(p12.3;q14.2)/PICALM::MLLT10* *AML avec t(16;21)(q24.3;q22.1)/RUNX1::CBFA2T3* *AML avec MDS/AML et mutation TP53*	*Détection de PRDM16::RPN1 et/ou t(1;3)(p36.3;q21.3)** *Détection de ETV6::MNX1 et/ou t(7;12)(q36.3;p13.2)** *Détection de PICALM::MLLT10 et/ou t(10;11)(p12.3;q14.2)** *Détection de RUNX1::CBFA2T3 et/ou t(16;21)(q24.3;q22.1)** *Détection d'une mutation TP53**	9861/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire
Néoplasmes et prolifération myéloïdes associés à des conditions antérieures ou prédisposantes			
Néoplasme myéloïde post-traitement cytotoxique (NM-pCT) Néoplasme myélodysplasique/myéloprolifératif post-traitement cytotoxique Leucémie myéloïde aiguë après traitement cytotoxique	Si NM avec une mutation génétique spécifique	9920/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire
Néoplasmes myélodysplasiques post-traitement cytotoxique	Si MDS avec une mutation génétique spécifique	9987/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire
Néoplasies myéloïdes/lymphoïdes			
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène PDGFRA	Détection d'un gène de fusion PDGFRA, la plupart du temps avec FIP1L1	9965/3	
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène PDGFRB	Détection d'un gène de fusion PDGFRB	9966/3	
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène FGFR1	Détection d'un gène de fusion FGFR1	9967/3	
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène JAK2	Détection d'un gène de fusion JAK2	9968/3	Ajoutez en commentaire : "Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène JAK2"
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène FLT3	Détection d'un gène de fusion FLT3	9968/3	Ajoutez en commentaire : "Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec réarrangement du gène FLT3"
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec fusion ETV6:ABL1	Détection d'une fusion ETV6::ABL1	9968/3	Ajoutez en commentaire : "Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec fusion ETV6:ABL1"
Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec autre fusion de gènes de tyrosine kinase	Détection d'un gène de fusion de tyrosine kinase autre que ceux listés ci-dessus	9968/3	Ajoutez en commentaire : "Néoplasie myéloïde/lymphoïde avec autre fusion de gènes de tyrosine kinase"
Leucémies aiguës à lignée cellulaire ambiguë ou mixte			
Leucémie aiguë de phénotype mixte avec fusion BCR::ABL1	Détection de BCR::ABL1 et/ou t(9;22)(q34;q11.2) démontrée lors du diagnostic initial (en l'absence de CML)	9806/3	
Leucémie aiguë de phénotype mixte avec réarrangement génétique KMT2A	Détection d'un réarrangement du gène KMT2A et/ou t(v;11q23.3)	9807/3	
Leucémie aiguë à lignée cellulaire ambiguë et d'autres anomalies génétiques définies, y compris le phénotype mixte de leucémie aiguë avec réarrangement du gène ZNF384 et leucémie aiguë à lignée cellulaire ambiguë et réarrangement du gène BCL11B	Détection d'un réarrangement du gène ZNF386 ou BCL11B	9805/3	

Néoplasies à cellules précurseurs B			
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec hyperdiploïdie élevée	Démonstration d'un statut d'hyperdiploïdie élevé (51-65 chromosomes) par caryotypage et/ou FISH	9815/3	
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec hypodiploïdie	Démonstration d'hypodiploïdie (≤43 chromosomes) par caryotypage et/ou FISH	9816/3	
Leucémie/lymphome lymphoblastique B, avec iAMP21	Détection d'une amplification intrachromosomique du chromosome 21 (iAMP21) (Définition iAMP21 = démonstration de ≥5 'copies' de RUNX1 par cellule, avec ≥3 'copies' sur 1 seul chromosome 21 anormal)	9811/3	Ajoutez en commentaire : "B-ALL avec iAMP21"
B-ALL avec réarrangement du gène DUX4 B-ALL avec réarrangement du gène MEF2D B-ALL avec réarrangement du gène ZNF384 B-ALL avec mutation PAX5 p.P80R B-ALL, avec altération PAX5 B-ALL avec réarrangement du gène NUTM1 B-ALL avec réarrangement du gène MYC	Détection du réarrangement du gène DUX4 Détection du réarrangement du gène MEF2D Détection du réarrangement du gène ZNF384(362) Détection d'une mutation PAX5 P80R Detectie d'une altération PAX5 Détection du réarrangement du gène NUTM1 Détection du réarrangement du gène MYC	9811/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec fusion BCR::ABL1	Détection de BCR::ABL1 et/ou t(9;22)(q34.1;q11.2)	9812/3	A l'exclusion des B-ALL qui acquièrent BCR:ABL1 suite à une thérapie
Leucémie/lymphome lymphoblastique B, BCR::ABL1-like	Détection d'une altération de l'ADN qui entraine un phénotype similaire à BCR::ABL, en l'absence d'un réarrangement du gène BCR::ABL1	9819/3	
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec réarrangement du gène KMT2A	Détection d'un réarrangement du gène KMT2A et/ou t(v;11q23.3) (les réarrangements du gène KMT2A sont le résultat de délétions, duplications, inversions ou translocations au niveau du locus 11q23)	9813/3	
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec fusion ETV6::RUNX1	Détection de ETV6::RUNX1 et/ou t(12;21)(p13.2;q22.1)	9814/3	Ajoutez en commentaire : "B-ALL avec fusion ETV6::RUNX1"
Leucémie/lymphome lymphoblastique B, ETV6::RUNX1-like	Détection d'un profil d'expression génique similaire à ETV6::RUNX1 ou identification d'un partenaire de fusion ETV6 reconnu, en l'absence de translocation ETV6::RUNX1	9814/3	Ajoutez en commentaire : "B-ALL avec caractéristiques ETV6::RUNX1-like"
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec fusion TCF3::PBX1	Détection de TCF3::PBX1 et/ou t(1;19)(q23.3;p13.3)	9818/3	Ajoutez en commentaire : "B-ALL avec fusion TCF3::PBX1"
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec fusion TCF3::HLF	Détection de TCF3::HLF	9818/3	Ajoutez en commentaire : "B-ALL avec fusion TCF3::HLF"
Leucémie/lymphome lymphoblastique B avec fusion IGH::IL3	Détection de IL3::IGH et/ou t(5;14)(q31.1;q32.3)	9817/3	
*B-ALL avec UBTF::ATXN7L3/PAN3,CDX2 ("CDX2/UBTF")** *B-ALL avec mutation IKZF1 N159Y** *Entité provisoire : B-ALL, avec mutation ZEB2 (p.H1038R)/ IGH::CEBPE** *Entité provisoire : B-ALL, ZNF384 'réarrangé'** *Entité provisoire : B-ALL, KMT2A 'réarrangé'**	*Détection de UBTF::ATXN7L3/PAN3,CDX2 ("CDX2/UBTF")** *Détection d'une mutation IKZF1 N159Y** *Détection d'une mutation ZEB2 (p.H1038R)/IGH::CEBPE** *Détection d'une anomalie génétique de type ZNF384 'réarrangé'** *Détection d'une anomalie génétique de type KMT2A 'réarrangé'**	9811/3	Ajoutez la mutation génétique en commentaire
Néoplasies à cellules matures B			
Lymphome diffus à grandes cellules B / lymphome à cellules B de haut grade avec réarrangements MYC et BCL2 (DLBCL/HGBL-MYC/BCL2)	Détection de réarrangements des gènes MYC et BCL2 avec ou sans réarrangement du gène BCL6	9680/3	Ajoutez en commentaire: "DLBCL/HGBL-MYC/BCL2"
Lymphome à grandes cellules B ALK-positif (ALK+ LBCL)	Détection d'un réarrangement du gène ALK	9737/3	Diagnostic seulement sur base d'une IHC = BD2 !
Lymphome à grandes cellules B avec réarrangement du gène IRF4 (LBCL-*IRF4r*)	Détection d'un réarrangement du gène IRF4	9698/3	Ajoutez en commentaire : "LBCL-IRF4r"
Lymphome à cellules B de haut grade avec aberration 11q (HGBL-11q)	Détection d'une aberration 11q	9687/3	Ajoutez en commentaire : "HGBL-11q"
Lymphome de Burkitt, incluant la leucémie à cellules de Burkitt	Détection d'une 'rupture' du gène MYC ou d'une translocation IG::MYC	9687/3	Ajoutez en commentaire: "lymphome de Burkitt"
Néoplasies à cellules précurseurs T			
*ALL à cellules précurseurs T avec réarrangement du gène BCL11B**	*Détection d'un réarrangement du gène BCL11B**	9837/3	
Néoplasies à cellules matures T et NK			
Lymphome anaplasique à grandes cellules, ALK positif (ALK+ ALCL)	Détection d'un réarrangement du gène ALK	9714/3	Diagnostic seulement sur base d'une IHC = BD2 !
Lymphome anaplasique à grandes cellules, ALK négatif (ALK- ALCL)	Absence d'un réarrangement du gène ALK	9715/3	Diagnostic seulement sur base d'une IHC = BD2 !

Tumeurs des tissus mous et des os			
Tumeurs des tissus mous			
Liposarcome myxoïde	Détection d'un réarrangement du gène DDIT3 (gènes de fusion FUS-DDIT3 ou EWSR1-DDIT3)	8852/3	
Dermatofibrosarcome protubérant, fibrosarcomateux	Détection du gène de fusion COL1A1-PDGFB ou un autre réarrangement du gène PDGFD (rare)	8832/3	
Tumeur fibreuse solitaire, maligne	Détection du gène de fusion NAB2-SAT6	8815/3	
Sarcome fibromyxoïde de bas grade	Détection du gène de fusion FUS-CREB3L2 ou FUS-CREB3L1 (ou une autre variante rare)	8840/3	
Fibrosarcome épithélioïde sclérosant	Détection d'un réarrangement du gène EWSR1-CREB3L1 ou d'autres réarrangements de gènes avec EWSR1 ou CREB3L	8840/3	
Hémangioendothéliome épithélioïde avec fusion WWTR1-CAMTA1	Détection d'une fusion WWTR1-CAMTA1	9133/3	Ajoutez en commentaire : "fusion WWTR1-CAMTA1"
Hémangioendothéliome épithélioïde avec fusion YAP1-TFE3	Détection d'une fusion YAP1-TFE3	9133/3	Ajoutez en commentaire : "fusion YAP1-TFE3"
Rhabdomyosarcome embryonnaire, SAI	Absence du gène de fusion FOXO1 (distinction ERMS - ARMS)	8910/3	
Rhabdomyosarcome embryonnaire pléomorphe	Absence du gène de fusion *FOXO1* (distinction ERMS - ARMS)	8910/3	
Rhabdomyosarcome alvéolaire	Détection du gène de fusion PAX3/7-FOXO1 (distinction ERMS - ARMS)	8920/3	
Rhabdomyosarcome congénital à cellules fusiformes (avec réarrangement VGLL2/NCOA2/CITED2)	Détection d'un réarrangement du gène VGLL2/NCOA2/CITED2	8912/3	
Rhabdomyosarcome à cellules fusiformes/de type sclérosant, MYOD1-muté	Détection d'une mutation MYOD1	8912/3	
Rhabdomyosarcome à cellules fusiformes intra-osseux (avec réarrangement TFCP2/NCOA2)	Détection d'un réarrangement TFCP2/NCOA2	8912/3	
Rhabdomyosarcome aveec réarrangement du gène TFCP2	Détection d'une fusion de TFCP2 et EWSR-1 ou FUS	8900/3	
Sarcome synovial	Détection du gène de fusion SS18-SSX1/2/4	9040/3	
Sarcome synovial à cellules fusiformes	Détection du gène de fusion SS18-SSX1/2/4	9041/3	
Sarcome synovial, type cellules épithélioïdes	Détection du gène de fusion SS18-SSX1/2/4	9042/3	
Sarcome synovial, type biphasique	Détection du gène de fusion SS18-SSX1/2/4	9043/3	
Sarcome alvéolaire des tissus mous	Détection du gène de fusion ASPSCR1-TFE3 et/ou der(17)t(X;17)(p11.2;q25)	9581/3	
Chondrosarcome myxoïde extrasquelettique	Détection d'un réarrangement du gène NR4A3	9231/3	
Tumeur desmoplastique à petites cellules rondes	Détection du gène de fusion EWSR1-WT1	8806/3	
Sarcomes indifférenciés à petites cellules rondes des os et tissus mous			
Sarcome d'Ewing	Détection de gènes de fusion impliquant un membre de la famille des gènes FET (généralement EWSR1) et un membre de la famille des gènes ETS	9364/3	
Sarcome à cellules rondes avec fusions EWSR1-non-ETS	Détection des fusions EWSR1 ou FUS associées à des fusions qui ne sont pas liées à la famille de gènes ETS	8803/3	9366/3 en commentaire. Le code n'existe pas encore dans l'ICD-O-3.2
Sarcome avec réarrangement CIC	Détection d'un gène de fusion lié à CIC, généralement CIC-DUX4 (une fusion CIC-DUX4 est présente dans 95% des cas, résultant d'une translocation t(4;19)(q35;q13) ou t(10;19)(q26;q13))	8803/3	9367/3 en commentaire. Le code n'existe pas encore dans l'ICD-O-3.2
Sarcome avec altérations génétiques BCOR	Détection d'un gène de fusion lié à BCOR, comme BCOR-CCNB3 et BCOR-ITD	8803/3	9368/3 en commentaire. Le code n'existe pas encore dans l'ICD-O-3.2
Tumeurs des os			
Chondrosarcome mésenchymateux	Détection d'une fusion HEY1-NCOA2	9240/3	
Chordome peu différencié	Détection d'une délétion dans SMARCB1 (INI1)	9370/3	

Tumeurs du système nerveux central			
Gliomes, tumeurs glioneuronales et neuronales			
Astrocytome, IDH-muté, de grade 2	Détection d'une mutation IDH1 ou IDH2 souvent associée à une mutation *ATRX* et/ou *TP53* et une absence de codélétion 1p/19q	9400/3	
Astrocytome, IDH-muté, de grade 3	Détection d'une mutation IDH1 ou IDH2 souvent associée à une mutation *ATRX* et/ou *TP53* et une absence de codélétion 1p/19q	9401/3	
Astrocytome, IDH-muté, de grade 4	Détection d'une mutation IDH1 ou IDH2 souvent associée à une mutation *ATRX* et/ou *TP53* et une absence de codélétion 1p/19q	9445/3	
Oligodendrogliome, IDH-muté et 1p/19q-codélétés, de grade 2	Détection d'une mutation IDH1 ou IDH2 et d'une codélétion des bras chromosomiques 1p et 19q	9450/3	
Oligodendrogliome, IDH-muté et 1p/19q-codélétés, de grade 3	Détection d'une mutation IDH1 ou IDH2 et d'une codélétion des bras chromosomiques 1p et 19q	9451/3	
Glioblastome, IDH type sauvage	Absence de mutation IDH et H3	9440/3	
Glioblastome à cellules géantes	Absence de mutation IDH et H3	9441/3	
Gliosarcome	Absence de mutation IDH et H3	9442/3	
Astrocytome diffus, *MYB* ou *MYBL1* altéré	Détection d'altérations génétiques MYB ou MYBL1	9421/1	Ajoutez en commentaire : "*MYB*- altéré" ou "*MYBL1*- altéré"
Gliome angiocentrique	Détection d'un gène de fusion MYB::QKI un d'une autre altération MYB ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un gliome diffus, MYB ou MYBL1 altéré	9431/1	
Tumeur neuroépithéliale polymorphe du jeune, de bas grade (PLNTY)	Détection d'anomalies génétiques activant la voie MAPK (par exemple BRAF p.V600E) et absence de mutation IDH	9413/0	
Gliome diffus de bas grade, voie MAPK altérée	Détection d'anomalies génétiques activant la voie MAPK (par exemple BRAF p.V600E of FGFR1), absence de mutation IDH et H3 et absence de délétion homozygote sur CDKN2A	9421/1	Ajoutez en commentaire : "voie MAPK altérée" (*BRAF* ou *FGFR1*)
Gliome diffus de la ligne médiane, H3 K27 altéré	Détection d'une mutation H3 p.K28M (K27M) ou p.K28I (K27I) (pour les sous-types H3 K27 mutants) ou détection d'une mutation pathogène ou amplification de EGFR (pour le sous-type EGFR mutant) ou d'un profil de méthylation d'un des sous-types d'un gliome diffus de la ligne médiane	9385/3	Ajoutez en commentaire : "Gliome diffus de la ligne médiane, H3 K27 altéré"
Gliome diffus hémisphérique, H3 G34 altéré	Détection d'une mutation H3.3 p.G35R (G34R) ou p.G35V (G34V) ou d'un profil de méthylation d'un gliome diffus hémisphérique, H3 G34 altéré	9385/3	Ajoutez en commentaire : "Gliome diffus hémisphérique, H3 G34 altéré"
Gliome diffus de haut grade, type pédiatrique, H3 et IDH non-mutés	Absence de mutation IDH et H3	9385/3	Ajoutez en commentaire : "Gliome diffus de haut grade, type pédiatrique, H3 et IDH non-mutés"
Gliome hémisphérique type enfant	Détection d'une anomalie typique du récepteur de la tyrosine kinase (par exemple fusion dans un gène de la famille NTRK ou dans ROS1, MET1, ou ALK) ou d'un profil de méthylation d'un gliome hémisphérique type enfant	9385/3	Ajoutez en commentaire : "Gliome hémisphérique type enfant"
Astrocytome pilocytaire	Détection d'une altération MAPK solitaire, comme une fusion KIAA1549::BRAF	9421/1	
Astrocytome pilomyxoïde	Détection d'une altération MAPK solitaire, comme une fusion KIAA1549::BRAF	9425/3	
Astrocytome de haut grade avec caractéristiques piloïdes (HGAP)	Détection d'un profil de méthylation de l'ADN d'un astrocytome de haut grade avec caractéristiques piloïdes	9421/3	
Xanthoastrocytome pléomorphe (PXA)	Détection d'une mutation BRAF ou d'autres anomalies génétiques de la voie MAPK, associées à une délétion homozygote de CDKN2A et/ou CDKN2B ou à un profil de méthylome de l'ADN d'un xanthoastrocytome pléomorphe	9424/3	
Gliome chordoïde	Détection d'une mutation faux-sens p.D463H dans le gène PRKCA	9444/1	
Astroblastome, MN1 altéré	Détection d'une altération MN1	9430/3	
Gangliogliome	Détection d'une mutation BRAF p.V600E ou d'une autre altération de la voie MAPK ou d'un profil de méthylation d'un gangliogliome	9505/1	
Gangliogliome anaplasique	Détection d'une mutation BRAF p.V600E ou d'une autre altération de la voie MAPK ou d'un profil de méthylation d'un gangliogliome	9505/3	
Gangliogliome infantile desmoplasique	Détection d'un profil de méthylation de DIG ou d'une mutation ou fusion BRAF ou RAF1, en l'absence de délétion homozygote de CDKN2A et/ou CDKN2B	9412/1	Ajoutez en commentaire : "Gangliogliome infantile desmoplasique"
Astrocytome infantile desmoplasique	Détection d'un profil de méthylation de DIA ou d'une mutation ou fusion BRAF ou RAF1, en l'absence de délétion homozygote de CDKN2A et/ou CDKN2B	9412/1	Ajoutez en commentaire : "Astrocytome infantile desmoplasique "
Tumeur neuroépithéliale dysembryoplasique (DNET)	Détection d'une altération du gène FGFR1 (duplication interne en tandem [ITD] de FGFR1, fusion, mutation faux-sens) ou d'un profil de méthylation d'une DNET	9413/0	
Tumeur glioneuronale papillaire (PGNT)	Détection du gène de fusion PRKCA (généralement SLC44A1::PRKCA) ou d'un profil de méthylation d'une tumeur glioneuronale papillaire	9509/1	Ajoutez en commentaire : " Tumeur glioneuronale papillaire"

Tumeur glioneuronale formant des rosettes (RGNT)	Détection d'une mutation FGFR1 avec fréquemment également la détection d'une mutation PIK3CA et/ou NF1 ou d'un profil de méthylation d'une RGNT	9509/1	Ajoutez en commentaire : "Tumeur glioneuronale formant des rosettes"
Tumeur glioneuronale myxoïde	Détection d'une mutation dinucléotide PDGFRA p.K385L/I ou (moins souvent) d'autres mutations dans le domaine extracellulaire de PDGFRA ou d'un profil de méthylation d'une tumeur glioneuronale myxoïde	9509/1	Ajoutez en commentaire : "Tumeur glioneuronale myxoïde"
Tumeur diffuse glioneuronale leptoméningée	Détection d'une délétion 1p et d'une altération de la voie MAPK (généralement fusion KIAA1549::BRAF) ou d'un profil de méthylation d'une tumeur diffuse glioneuronale leptoméningée	9509/3	
Neurocytome extraventriculaire	Détection d'un profil de méthylation d'un neurocytome extraventriculaire et/ou d'une altération FGFR1 (généralement fusion FGFR1::TACC1)	9506/1	Ajoutez en commentaire : "Neurocytome extraventriculaire"
Liponeurocytome cérébelleux	Détection d'un profil de méthylation d'un liponeurocytome cérébelleux	9506/1	Ajoutez en commentaire : "Liponeurocytome cérébelleux"
Ependymome supratentoriel, fusion ZFTA positive	Détection d'un gène de fusion ZFTA	9396/3	Ajoutez en commentaire : "Ependymome supratentoriel, fusion ZFTA positive"
Ependymome supratentoriel, fusion YAP1 positive	Détection d'un gène de fusion YAP1	9396/3	Ajoutez en commentaire : "Ependymome supratentoriel, fusion YAP1 positive"
Ependymome supratentoriel, SAI	Absence des gènes de fusion ZFTA et/ou YAP1	9391/3	Ajoutez en commentaire : "Supratentoriel"
Ependymome de la fosse postérieure, groupe A	Détection d'un profil de méthylation d'un épendymome de la fosse postérieure, groupe A, ou d'une réduction globale de H3 p.K28me3 (K27me3) dans les noyaux des cellules tumorales	9396/3	Ajoutez en commentaire : "PFA"
Ependymome de la fosse postérieure, groupe B	Détection d'un profil de méthylation d'un épendymome de la fosse postérieure, groupe B	9396/3	Ajoutez en commentaire : "PFB"
Ependymome spinal, MYCN-amplifié	Détection d'une amplification MYCN ou d'un profil de méthylation d'un épendymome spinal, MYCN-amplifié	9396/3	Ajoutez en commentaire : "Ependymome spinal, MYCN-amplifié"
Ependymome myxopapillaire	Détection d'un profil de méthylation d'un épendymome myxopapillaire	9394/1	
Tumeurs embryonnaires			
Médulloblastome, WNT activé	Détection d'activation de la voie WNT (par exemple mutation dans l'exon 3 de CTNNB1) ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un médulloblastome WNT activé	9475/3	
Médulloblastome, SHH activé et TP53 non-muté	Absence de mutation TP53 et détection d'activation de la voie SHH (par exemple mutation dans PTCH1, SMO, SUFU, GLI1 ou GLI2) ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un médulloblastome SHH activé	9471/3	Ajoutez en commentaire : "SHH activé et TP53 non-muté"
Médulloblastome, SHH activé et TP53 muté	Détection d'une mutation TP53 et détection d'une mutation génétique de la voie SHH (par exemple amplification MYCN) ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un médulloblastome SHH activé	9476/3	
Médulloblastome, non-WNT/non-SHH	Absence d'activation des voies WNT et SHH ou profil de méthylation de l'ADN d'un médulloblastome, groupe 3 ou 4	9477/3	
Tumeur tératoïde/rhabdoïde atypique (ATRT)	Profil de méthylation de l'ADN compatible avec une tumeur tératoïde/rhabdoïde atypique ou inactivation biallélique de SMARCB1 ou SMARCA4	9508/3	
Tumeur embryonnaire avec rosaces multicouches (ETMR)	Détection d'une altération C19MC ou d'une mutation DICER1 ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'une ETMR	9478/3	
Neuroblastome du SNC, FOXR2 activé	Détection d'une activation de FOXR2 par réarrangement ou fusion de gènes ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un neuroblastome du SNC FOXR2 activé	9500/3	Ajoutez en commentaire : "Neuroblastome du SNC, FOXR2 activé"
Tumeur du SNC avec duplication interne en tandem BCOR	Détection d'une ITD (duplication interne en tandem) dans l'exon 15 de BCOR ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'une tumeur du SNC avec duplication interne en tandem BCOR	9500/3	Ajoutez en commentaire : "Tumeur du SNC avec duplication interne en tandem BCOR"
Tumeurs pinéales			
Tumeur parenchymale pinéale de différentiation intermédiaire (PPTID)	Détection d'un profil de méthylation de l'ADN d'une PPTID ou détection d'insertions KBTBD4 sans décalage du cadre de lecture	9362/3	Ajoutez en commentaire : "Tumeur parenchymale pinéale de différentiation intermédiaire"
Pinéoblastome	Détection d'un profil de méthylation de l'ADN d'un sous-type de pinéoblastome (pinéoblastome, traitement altéré de microARN_1; pinéoblastome, traitement altéré de microARN_2; pinéoblastome, RB1 altéré ou pinéoblastome, MYC/FOXR2 activé)	9362/3	Ajoutez en commentaire : "Pinéoblastome"
Tumeur papillaire de la région pinéale	Détection d'un profil de méthylation de l'ADN d'une tumeur papillaire de la région pinéale	9395/3	
Tumeurs des nerfs crâniaux et paraspinaux			
Tumeur maligne mélanotique de la gaine nerveuse	Détection d'une mutation ou perte d'expression de PRKAR1A ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'une tumeur maligne mélanotique de la gaine nerveuse	9540/3	Ajoutez en commentaire : "Mélanotique"
Tumeur maligne de la gaine nerveuse périphérique (MPNST)	Détection de l'inactivation combinée des gènes NF1, CDKN2A et/ou CDKN2B et SUZ12 ou EED ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'une MPNST	9540/3	Ajoutez en commentaire : "Périphérique"
Tumeur neuroendocrine de la cauda equina (anciennement paragangliome)	Détection d'un profil de méthylation de l'ADN d'une tumeur neuroendocrine de la cauda equina	8693/3	

Méningiome			
Méningiome	Détection d'une inactivation biallélique de NF2 ou d'autres 'drivers' classiques de méningiomes conventionnels (TRAF7, AKT1, KLF4, SMO, PIK3CA), méningiomes à cellules claires (SMARCE1) ou méningiomes rhabdoïdes (BAP1) ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un méningiome ou d'un sous-type spécifique	9530/0 ou code selon le sous-type	Les informations par rapport au caractère atypique/anaplasique doivent être enregistrées à l'aide du grade OMS du SNC
Tumeurs mésenchymales, non-méningothéliales du SNC			
Hémangioblastome	Détection d'une inactivation ou d'une perte du gène VHL	9161/1	
Sarcome avec réarrangement CIC	Détection d'une fusion de gènes liés au CIC, généralement CIC-DUX4 (une fusion CIC-DUX4 est présente dans 95% des cas, entrainant une translocation t(4;19)(q35;q13) ou t(10;19)(q26;q13))	8803/3	9367/3 en commentaire. Le code n'existe pas encore dans l'ICD-O-3.2
Sarcome d'Ewing	Détection de fusions de gènes impliquant un membre de la famille des gènes FET (généralement EWSR1) et un membre de la famille des gènes ETS	9364/3	
Sarcome intracrânial primaire, DICER1 muté	Détection d'une mutation pathogène DICER1 ou d'un profil de méthylation de l'ADN d'un sarcome intracrânial primaire, DICER1 muté	9480/3	
Tumeurs de la région sellaire			
Craninpharyngiome adamantinomateux	Détection d'une mutation CTNNB1 et d'une absence de mutation BRAF p.V600E	9351/1	
Craniopharyngiome papillaire	Détection d'une mutation BRAF p.V600E et d'une absence de mutation CTNNB1	9352/1	
Blastome pituitaire	Détection d'altérations DICER1	8273/3	
Tumeurs du parenchyme rénal			
Carcinome à cellules rénales avec réarrangement du gène TFE3	Détection d'un réarrangement du gène TFE3 ou du gène de fusion TFE3 ou d'une translocation Xp11	8311/3	
Carcinome à cellules rénales TFEB altéré	Détection d'un réarrangement du gène TFEB ou du gène de fusion TFEB ou d'une t(6;11)(p21;q12)	8311/3	
Carcinome à cellules rénales ELOC muté (anciennement TCEB1)	Détection d'une mutation ELOC	8311/3	
Carcinome à cellules rénales déficientes en fumarate hydratase	Détection d'une mutation pathogène du gène FH	8311/3	
Carcinome à cellules rénales déficientes en succinate déshydrogénase	Détection d'une mutation SDHB ou SDHA	8311/3	
Carcinome à cellules rénales avec réarrangement du gène ALK	Détection d'un réarrangement du gène ALK ou du gène de fusion ALK	8311/3	
Carcinome rénale médullaire déficient en SMARCB1	Détection d'une inactivation (par translocation ou délétion) du gène SMARCB1	8510/3	
Sarcome à cellules claires du rein	Détection de mutations BCOR ou du gène de fusion YWHAE::NUTM2 ou BCOR::CCNB3	8964/3	
Tumeur rhabdoïde du rein	Détection d'une mutation SMARCB1 ou SMARCA4	8963/3	
Tumeurs du thorax			
Tumeur thoracique indifférenciée SMARCA4-déficiente	Détection d'une mutation SMARCA4	8044/3	
Carcinome à cellules claires hyalinisant du poumon	Détection du gène de fusion EWSR1-ATF	8310/3	
Sarcome myxoïde pulmonaire avec fusion EWSR1-CREB1	Détection du gène de fusion EWSR1-CREB1	8842/3	
Blastome pleuropulmonaire	Détection d'une mutation germinale DICER1	8973/3	
Autres tumeurs			
Carcinome NUT	Détection d'un réarrangement du gène NUTM1	8023/3	
Carcinome sinonasal déficient en SWI/SNF	Détection d'une mutation SMARCB1 ou SMARCA4	8020/3	
Mésothéliome	Détection d'une délétion de BAP1 ou CDKN2A	9050/3	
Mésothéliome fibreux/desmoplasique/sarcomatoïde/à cellules fusiformes, malin	Détection d'une délétion de BAP1 ou CDKN2A	9051/3	
Mésothéliome épithélioïde malin	Détection d'une délétion de BAP1 ou CDKN2A	9052/3	
Mésothéliome biphasique, malin	Détection d'une délétion de BAP1 ou CDKN2A	9053/3	
Gastroblastome	Détection du gène de fusion MALAT1-GLI1	8976/3	
Sarcome gastrointestinal à cellules claires/tumeur neuroectodermique gastrointestinale maligne	Détection du gène de fusion EWSR1 (généralement EWSR1-ATF1 ou EWSR1-CREB1)	9044/3	
Tumeur cutanée CRTC1::TRIM11	Détection d'une fusion CRTC1::TRIM11	9044/3	
Sarcome cutané à cellules claires	Détection d'un réarrangement du gène EWSR1 et/ou d'une fusion EWSR1::ATF1 ou EWSR1::CREB1	9044/3	
Carcinome mucoépidermoïde	Détection d'un gène de fusion CRTC1::MAML2	8430/3	
Adénocarcinome polymorphe	Détection d'une mutation hotspot PRKD1 p.Glu710Asp ou d'une translocation d'un des gènes PRKD1, PRKD2 ou PRKD3	8525/3	

* entité qui n'apparaît que dans les lignes directrices ICC